

МИНИСТЕРСТВО ПРОСВЕЩЕНИЯ
РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ

ФЕДЕРАЛЬНОЕ
ГОСУДАРСТВЕННОЕ БЮДЖЕТНОЕ
ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ
«ЛУГАНСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ПЕДАГОГИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ»
(ФГБОУ ВО «ЛГПУ»)

Институт естественных наук

Кафедра лабораторной диагностики, анатомии и физиологии




Гаврик С.Ю.
2025 г.

Приложение к рабочей программе учебной дисциплины

ФОНД ОЦЕНОЧНЫХ СРЕДСТВ
для проведения текущего контроля и промежуточной аттестации
обучающихся по дисциплине
ГЕНОМИКА
С ОСНОВАМИ МОЛЕКУЛЯРНОЙ ГЕНЕТИКИ

По направлению подготовки 06.04.01 Биология
Программа магистратуры Генетика
Квалификация выпускника магистр
Форма обучения очная
Курс 1 (1 семестр)

Разработчик
доцент Криничная Н.В.
Заведующий кафедрой
лабораторной диагностики,
анатомии и физиологии
 Климочкина Е.М.
Протокол
от « 18 » 12 2024 г., № 9

Луганск, 2025

1. ПАСПОРТ ФОНДА ОЦЕНОЧНЫХ СРЕДСТВ

1.1. Область применения

Фонд оценочных средств (ФОС) – неотъемлемая часть рабочей программы дисциплины «Геномика с основами молекулярной генетики» и предназначен для контроля и оценки достижений студентов, освоивших программу дисциплины.

1.2. Цели и задачи фонда оценочных знаний

Цель ФОС – установить соответствие уровня подготовки обучающегося требованиям ФГОС ВО магистратура по направлению подготовки 06.04.01 Биология утвержденным приказом Министерства науки и высшего образования Российской Федерации от 11 августа 2020 г. №934 и Профессиональным стандартом, утвержденным Приказом Министерства труда и социальной защиты Российской Федерации «Об утверждении профессионального стандарта» от 18 октября 2013 г. №544н (с изменением); Профессиональным стандартом, утвержденным Приказом Министерства труда и социальной защиты Российской Федерации «Об утверждении профессионального стандарта» от 22 мая 2017 г. №432н; Профессиональным стандартом, утвержденным Приказом Министерства труда и социальной защиты Российской Федерации «Об утверждении профессионального стандарта» от 16 сентября 2022 г. №561н.

1.3. Перечень компетенций, формируемых в процессе освоения основной образовательной программы

Процесс освоения дисциплины направлен на формирование следующих компетенций и индикаторов их достижения:

Код по ФГОС ОВ	Индикатор достижения
УК-1	УК-1.1, УК-1.4
ОПК-1	ОПК-1.1, ОПК-1.2
ОПК-2	ОПК-2.1, ОПК-2.2
ПК-3	

1.4. Этапы формирования компетенций и средства оценивания уровня их сформированности

Этапы формирования компетенций	Компетенции	Контрольно-оценочные средства / способ оценивания
Введение в геномику. Геном прокариот и эукариот. Анализ организации и структуры геномов. Геномы органелл.	ОПК-2, ПК-3	Подготовка к практическим занятиям, презентации, доклады, конспектирование тем
Введение в структурную геномику. Введение в функциональную геномику.	УК-1, ОПК-1	Подготовка к практическим занятиям, презентации, доклады, конспектирование тем
Промежуточная аттестация	УК-1, ОПК-1, ОПК-2, ПК-3	Экзамен (устный)

1.5. Описание показателей формирования компетенций

Код по ФГОС ОВ	Индикатор достижения	Результаты обучения по дисциплине
Универсальной		
УК-1	УК-1.1, УК-1.4	Знает: стратегию действий при проблемных ситуациях. Умеет: анализировать проблемную ситуацию как систему, выявляя ее составляющие и связи между ними. Владеет навыками: разрабатывать и содержательно аргументировать стратегию решения проблемной ситуации на основе системного и междисциплинарных подходов.
Общепрофессиональных		
ОПК-1	ОПК-1.1, ОПК-1.2	Знает: актуальные проблемы в области геномных исследований.

		<p>Умеет: анализировать тенденции развития научных исследований и практических разработок в сфере профессиональной деятельности.</p> <p>Владеет навыками: применять фундаментальные биологические представления и современные методологические подходы для постановки и решения новых нестандартных задач в сфере профессиональной деятельности.</p>
ОПК-2	ОПК-2.1, ОПК-2.2	<p>Знает: Знает современные методы исследований.</p> <p>Умеет: Умеет творчески использовать специальные теоретические и практические знания для формирования новых решений путем интеграции различных методических подходов.</p> <p>Владеет навыками: использовать специальные теоретические и практические знания для формирования новых решений путем интеграции различных методических подходов.</p>
Профессиональной		
ПК-3		<p>Знает: методы математико-статистической обработки данных.</p> <p>Умеет: применять методические основы проектирования генетических и биологических исследований.</p>

		Владеет навыками: работы в молекулярно-генетической лаборатории.
--	--	--

1.6. Критерии оценивания компетенций на разных этапах их формирования

Баллы, которые получают студенты очной формы обучения

Вид учебной работы	Количество баллов
1 семестр	
Выполнение практических работ и устные ответы	35
Самостоятельная работа (реферат)	15
Экзамен	50
Итого за семестр:	100

Баллы, которые получают студенты очно-заочной формы обучения

Вид учебной работы	Количество баллов
1 семестр	
Выполнение практических работ и устные ответы	35
Самостоятельная работа (реферат)	15
Экзамен	50
Итого за семестр:	100

Накопительная система оценивания по 100-балльной шкале

Четырехбалльная система оценивания экзамена	100-балльная шкала	Буквенная шкала, соответствующая 100-балльной шкале	Система оценивания зачета
Отлично	90–100	А – отлично – теоретическое содержание курса освоено полностью, без пробелов; необходимые практические навыки работы с освоенным материалом сформированы; все предусмотренные программой обучения учебные задания выполнены, качество их выполнения оценено числом баллов, близким к максимальному	
Хорошо	83–89	В – очень хорошо – теоретическое содержание курса освоено полностью, без пробелов; необходимые практические навыки работы с	

		освоенным материалом в основном сформированы; все предусмотренные программой обучения учебные задания выполнены, качество выполнения большинства из них оценено числом баллов, близким к максимальному	Зачтено
Хорошо	75–82	С – хорошо – теоретическое содержание курса освоено полностью; некоторые практические навыки работы с освоенным материалом сформированы недостаточно; все предусмотренные программой обучения учебные задания выполнены, качество выполнения ни одного из них не оценено минимальным числом баллов, некоторые виды заданий выполнены с ошибками	
Удовлетворительно	63–74	Д – удовлетворительно – теоретическое содержание дисциплины освоено частично, но пробелы не носят существенного характера; необходимые практические навыки работы с освоенным материалом в основном сформированы; большинство предусмотренных программой обучения учебных заданий выполнено, некоторые из выполненных заданий, содержат ошибки	
Удовлетворительно	50–62	Е – посредственно – теоретическое содержание курса освоено частично; некоторые практические навыки работы не сформированы, многие предусмотренные программой обучения учебные задания не выполнены либо качество выполнения некоторых из них оценено числом баллов, близким к минимальному	
Неудовлетворительно	21–49	FX – неудовлетворительно – теоретическое содержание курса освоено частично; необходимые практические навыки работы не сформированы; большинство предусмотренных программой обучения учебных заданий не выполнено либо качество	Не зачтено

		их выполнения оценено числом баллов, близким к минимальному; при дополнительной самостоятельной работе над материалом курса возможно повышение качества выполнения учебных заданий	
Неудовлетво- рительно	0–20	F – неудовлетворительно – теоретическое содержание курса не освоено; необходимые практические навыки работы не сформированы; все выполненные учебные задания содержат грубые ошибки, дополнительная самостоятельная работа над материалом курса не приведет к какому-либо значимому повышению качества выполнения учебных заданий	

2. КОНТРОЛЬНО-ОЦЕНОЧНЫЕ СРЕДСТВА

2.1 Оценочные средства текущего контроля

Вопросы для устного опроса:

1. Геномика как наука: цель, задачи, разделы.
2. История развития геномики.
3. Программа «Геном человека».
4. Методы анализа геномов.
5. Основы геномного полиморфизма.
6. Структурный анализ геномов: физическое и генетическое картирование.
7. Геномы прокариот: строение и характерные особенности.
8. Основные структурные компоненты геномов прокариот и эукариот.
9. Геномы митохондрий.
10. Сателлитная ДНК: локализация, распределение, функциональная значимость.
11. Пути образования генных семейств: значимость и их роль в эволюции геномов.
12. Мобильные генетические элементы: принципы строения, передвижения и распространение в геномах.
13. Мобильные генетические элементы – вирусные ретротранспозоны. Строение, их роль в геноме человека.
14. Функциональная геномика.
15. Сравнительная геномика.
16. Протеомные исследования.
17. Транскриптом и транскриптом и методы его исследования.
18. Секвенирование первого поколения: преимущества и недостатки.
19. Роль мобильных элементов в эволюции геномов.
20. Методические подходы генетического картирования.
21. Геномные проекты.
22. Изучение полиморфизма геномов.
23. Секвенирование третьего поколения.
24. Полиморфизм и молекулярные маркеры.
25. Геномные подпроекты.
26. Организация некодирующей ДНК.
27. Структурные компоненты геномов.
28. Основы ДНК-полиморфизма.
29. Гаплотипы и гаплотипирование.
30. Неядерные мутации и болезни человека.
31. Комбинаторные перестройки геномов эукариот.
32. Геномы растений: размер, структура, особенности строения.
33. Неядерный геном растений.
34. Геном человека: размер, структура, особенности строения.
35. Протеом и его динамичность.

36. Медицинская геномика. Биомедицинские исследования геномов.
37. Генодиагностика. Развитие, методы.
38. Генотерапия. Развитие, методы.
39. Фармакогеномика. Развитие, методы.
40. Биологические базы данных.

2.2 Темы для подготовки мультимедийных презентаций/докладов:

1. Медицинская геномика. Биомедицинские исследования геномов.
2. Генодиагностика. Развитие, методы.
3. Генотерапия. Развитие, методы.
4. Фармакогеномика. Развитие, методы.
5. Биологические базы данных.
1. Схемы переноса и введения новых генов в эукариотические клетки

2.3 Задания для практических занятий:

Тестовые задания:

1. В современных ДНК-секвенаторах используют:

- а) высокоэффективный капиллярный электрофорез;
- б) высокоэффективную жидкостную хроматографию;
- в) тонкослойную хроматографию;
- г) электрофорез в пластинах геля.

2. Не является методом ДНК-секвенирования:

- а) метод терминаторов по Сенгеру;
- б) плюс-минус метод по Сенгеру;
- в) метод ник-трансляции по Сенгеру;
- г) метод химической дегградации ДНК по Максаму-Гилберту.

3. Что имеет наибольшую длину:

- а) контиг;
- б) скаффолд;
- в) рид;
- г) олигонуклеотид.

4. Флюорофор к нуклеотиду-терминатору пришивают:

- а) к 5'-концу;
- б) к 3'-концу;
- в) к 5'-концу и к 3'-концу;
- г) к основанию.

5. Пиросеквенирование основано на:

- а) использовании *rfl*-полимеразы из *Pirococcus furiosus*;
- б) детекции пирофосфата;
- в) применении пиросульфата для секвенирования;
- г) использовании чрезвычайно термостойких ДНК-полимераз.

3. Температура денатурации ДНК (°C):

1. 37;
2. 65;

3. 100.

4. Узнают и расщепляют молекулы ДНК строго в сайте узнавания или на фиксированном расстоянии от него нуклеазы:

1. 1 класса;
2. 2 класса;
3. 3 класса;
4. 1 и 3 класса;
5. 2 и 3 класса.

5. При разгоне ДНК в агарозном геле дальше всего от стартовой линии окажутся фрагменты:

1. Короткие;
2. Длинные;
3. Короткие.

6. Для построения рестрикционной карты необходимо фрагменты ДНК последовательно обработать:

1. 1 рестриктазой, затем 2 рестриктазой;
2. 1 рестриктазой и смесью 1 и 2 рестриктаз;
3. 1 рестриктазой, 2 рестриктазой и их смесью.

7. Название «метод дробовика» применяется по отношению к библиотекам:

1. Геномным;
2. Клоновой ДНК.

8. Полимеразную цепную реакцию разработал:

1. Берг;
2. Гилберт;
3. Саузерн;
4. Маллис.

2.3 Оценочные средства для промежуточной аттестации

Вопросы к экзамену:

1. История развития геномных исследований. Геномная революция конца 20 в.
2. Проект «Геном человека»: цель, задачи, подпрограммы, итоги.
3. Протеомика. Цель и задачи протеомики.
4. Хромосомы прокариот: форма, количество, структурные элементы.
5. Хромосомы эукариот: форма, количество, структурные элементы.
6. Структура гена у различных организмов: кодирующие и некодирующие последовательности, размеры и расположение регуляторных элементов.
7. Организация оперонов у прокариот. Лактозный оперон.
8. Секвенирование ДНК по методу Сэнгера.
9. Дайте определение терминам «секвенирование», «секвенатор».
10. Принцип действия, достоинства и недостатки геномных секвенаторов разных поколений.

11. Биологические базы данных. Крупнейшие генбанки: типы, принципы их работы.

12. Поиск информации в биологических базах данных: методы и сложности.

13. Аннотация геномных последовательностей: основные задачи и подходы к их решению.

14. Генетическое картирование.

15. Классификация генов. Регуляторные последовательности.

16. Структурные элементы транскриптома.

17. SNP (точечные нуклеотидные полиморфизмы). Использование SNP в молекулярной диагностике болезней человека.

18. Этапы эволюции геномов.

19. Избыточность генома.

20. Вклад мутационных и рекомбинационных процессов в эволюцию генома.

21. Мобильные генетические элементы, их структура, значение.

22. Классификация, строение и основные свойства мобильных генетических элементов эукариот.

23. Характерные черты геномов прокариот.

24. Характерные черты геномов эукариот.

25. Геном митохондрий. Митохондриальные заболевания.

26. Геном пластид.

27. Редактирование генома. CRISPR-Cas.

28. Фармакогеномика.

29. Биоинформатика, программное обеспечение в геномике.

30. Геномика как будущее медицины.